Opérateur ASSE_VECT_GENE

1 But

Projeter les chargements sur la base modale d'une sous-structure.

Dans le cadre d'un calcul harmonique utilisant les méthodes de sous-structuration, l'opérateur ASSE_VECT_GENE effectue la projection des chargements de type cham_no_DEPL_R issus de ASSE_VECTEUR [U4.61.23], sur la base modale de la sous-structure définie par DEFI_BASE_MODALE [U4.64.02]. Les vecteurs généralisés ainsi obtenus sont assemblés à partir de la définition du modèle généralisé issu de DEFI_MODELE_GENE [U4.65.02]. Le vecteur généralisé assemblé final est construit sur la numérotation des degrés de liberté généralisés établie au préalable par l'opérateur NUME_DDL_GENE [U4.65.03].

Le concept résultat produit par cet opérateur est de type vect_asse_gene.

Document diffusé sous licence GNU FDL (http://www.gnu.org/copyleft/fdl.html)

2 Syntaxe

```
vect_gene [vect_asse_gene] = ASSE_VECT_GENE(

      ♦ NUME_DDL_GENE = nu_gene,                    [nume_ddl_gene]

      ◊ METHODE = / 'CLASSIQUE',                    [DEFAUT]
                  / 'INITIAL',

         # Si METHODE='CLASSIQUE' :
         ♦ CHAR_SOUS_STRUC = _F(

            ♦ SOUS_STRUC = 'nom_sstruc',            [Kn]

            ♦ VECT_ASSE = vecas,                    [cham_no_DEPL_R]

                                  ),
      )
```


Document diffusé sous licence GNU FDL (http://www.gnu.org/copyleft/fdl.html)

3 Opérandes

3.1 Opérande NUME_DDL_GENE

♦ NUME_DDL_GENE = nu_gene

Nom du concept nume_ddl_gene issu de l'opérateur NUME_DDL_GENE [U4.65.03] qui définit la numérotation de degrés de liberté à utiliser pour le vecteur généralisé assemblé.

3.2 Opérande METHODE

◊ METHODE = 'CLASSIQUE', 'INITIAL'

Type de méthode utilisée pour l'assemblage des matrices. La méthode 'INITIAL' permet d'initialiser un vecteur nul de type vect_asse_gene que l'on peut remplir par des méthodes python. Cette méthode a été créée pour le développement.

3.3 Mot clé CHAR_SOUS_STRUC

♦ CHAR_SOUS_STRUC

Mot clé facteur permettant de définir les chargements appliqués à la structure. La définition du chargement se fait par la donnée du vecteur assemblé qui lui est associé et du nom de la sous-structure sur laquelle il s'applique.

3.3.1 Opérande SOUS_STRUC

♦ SOUS_STRUC = 'nom_sstruc'

Nom de la sous-structure sur laquelle le chargement est appliqué. Elle doit avoir été définie au préalable par l'opérateur DEFI_MODELE_GENE [U4.65.02].

3.3.2 Opérande VECT_ASSE

♦ VECT_ASSE = vecas

Nom du concept cham_no_DEPL_R issu de ASSE_VECTEUR [U4.61.23] qui définit la répartition spatiale du chargement appliqué à la sous-structure.

Document diffusé sous licence GNU FDL (http://www.gnu.org/copyleft/fdl.html)